



Supplementary Material

Genetic Diversity and Geographic Differentiation in Northern Snakehead (*Channa argus*) Based on Mitochondrial Cyt b Gene

Aiguo Zhou^{1,3,4}, Shaolin Xie^{1,4}, Zhenlu Wang¹, Lanfen Fan¹, Yanfeng Chen², Qiao Ye¹, Fang Zeng¹ and Jixing Zou^{1,*}

¹College of Marine Sciences, South China Agricultural University, Guangzhou 510642, Guangdong, China

²College of Life Science, Foshan University, Foshan 528231, Guangdong, China

³Qingyuan North River Fishery Science Institute, Qingyuan 511510, Guangdong, China

⁴Qingyuan Fisheries Technology Limited Company, Qingyuan 511510, Guangdong, China

* Corresponding author: zoujixing@scau.edu.cn

0030-9923/2019/0001-0359 \$ 9.00/0

Copyright 2019 Zoological Society of Pakistan

Supplementary Table SI.- Pairwise distances calculated using Kimura 2-parameter model for Cyt b gene.

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	
1	0.000	0.001	0.001	0.001	0.009	0.009	0.017	0.018	0.017	0.018	0.019	0.020	0.019	0.019	0.021	
2	0.000		0.001	0.001	0.001	0.009	0.009	0.017	0.018	0.017	0.018	0.019	0.020	0.019	0.019	0.021
3	0.001	0.001		0.002	0.002	0.009	0.009	0.017	0.018	0.017	0.018	0.019	0.020	0.019	0.019	0.021
4	0.001	0.001	0.002		0.002	0.009	0.009	0.017	0.018	0.017	0.018	0.019	0.020	0.019	0.018	0.021
5	0.001	0.001	0.002	0.002		0.009	0.009	0.018	0.018	0.017	0.018	0.019	0.020	0.019	0.018	0.021
6	0.075	0.075	0.075	0.077	0.077		0.003	0.017	0.018	0.017	0.017	0.020	0.021	0.020	0.019	0.021
7	0.080	0.080	0.080	0.081	0.081	0.007		0.017	0.019	0.017	0.017	0.020	0.020	0.019	0.019	0.021
8	0.193	0.193	0.194	0.194	0.194	0.191	0.185		0.017	0.018	0.017	0.018	0.017	0.021	0.021	0.020
9	0.195	0.195	0.197	0.197	0.197	0.204	0.201	0.183		0.017	0.016	0.018	0.018	0.019	0.020	0.019
10	0.198	0.198	0.200	0.200	0.200	0.197	0.190	0.220	0.168		0.013	0.018	0.018	0.017	0.019	0.019
11	0.207	0.207	0.208	0.208	0.208	0.198	0.195	0.183	0.165	0.130		0.018	0.019	0.017	0.018	0.018
12	0.225	0.225	0.227	0.227	0.227	0.240	0.238	0.218	0.214	0.218	0.212		0.018	0.020	0.021	0.021
13	0.240	0.240	0.242	0.242	0.242	0.238	0.233	0.192	0.184	0.206	0.220	0.216		0.020	0.021	0.021
14	0.232	0.232	0.232	0.234	0.234	0.225	0.220	0.241	0.240	0.210	0.215	0.248	0.241		0.021	0.021
15	0.238	0.238	0.239	0.239	0.239	0.247	0.244	0.281	0.254	0.228	0.224	0.257	0.267	0.256		0.019
16	0.253	0.253	0.253	0.255	0.255	0.268	0.260	0.244	0.225	0.229	0.231	0.254	0.256	0.270	0.232	

1, *BtcaHB1*; **2**, *C. argus* x *C. maculata*; **3**, *WtcaHB1*; **4**, *WtcaHB3*; **5**, *WtcaHB2*; **6**, *C. maculata* x *C. argus*; **7**, *C. maculata*; **8**, *C. asiatica*; **9**, *C. marulius*; **10**, *C. diplogramme*; **11**, *C. micropeltes*; **12**, *C. gachua*; **13**, *C. striata*; **14**, *P. insignis*; **15**, *L. maculatus*; **16**, *E. coioides*.